

· 论 著 ·

脑胶质瘤 SOX7 基因的甲基化状态及临床意义

穆寅东 赵天书 谢 清

【摘要】目的 探讨脑胶质瘤 SOX7 基因的甲基化状态及其与病人预后的关系。**方法** 收集 2013 年 6 月至 2015 年 1 月手术切除的胶质瘤标本 131 例,另取颅脑损伤内减压术中切除的正常脑组织标本 32 例作为对照。应用甲基化特异 PCR 及 RT-PCR 方法检测 SOX7 基因的甲基化状态及 mRNA 表达水平。采用 Kplan-Meier 法分析生存曲线。**结果** 胶质瘤 SOX7 基因甲基化率(71.8%, 94/131)明显高于正常脑组织(32.4%, 11/34; $P<0.05$)。高级别胶质瘤 SOX7 甲基化率(81.01%, 64/79)明显高于低级别胶质瘤(57.69%, 30/52)。胶质瘤 SOX7 mRNA 水平明显低于正常脑组织($P<0.05$)。SOX7 基因甲基化组生存期较非甲基化组明显缩短($P<0.01$)。**结论** 胶质瘤 SOX7 基因甲基化率升高,SOX7 在胶质瘤中表达水平下调,SOX7 基因的甲基化状态与病人生存期密切相关。

【关键词】 胶质瘤;SOX7 基因;甲基化;预后

【文章编号】 1009-153X(2019)02-0090-03 **【文献标志码】** A **【中国图书资料分类号】** R 739.41; Q 786

Methylation state of SOX9 in human glioma and its clinical meanings

MU Yin-dong¹, ZHAO Tian-shu², XIE Qing³. 1. Department of Histology and Embryology, Mudanjiang Medical College, Mudanjiang 157011, China; 2. Department of Neurosurgery, The Fourth Affiliated Hospital, Harbin Medical University, Harbin 150006, China; 3. Department of Clinical Laboratory, Beijing Shijitan Hospital, Capital Medical University, Beijing 100038, China

【Abstract】Objective To detect the methylation status and expression level of SOX7 in the human glioma and normal brain tissues, and evaluate their relationship with the tumorigenesis and prognosis in the patients with gliomas. **Methods** The methylation states and expression levels of SOX7 were determined respectively by methylation specific PCR and RT-PCR in 131 samples of gliomas tissues and 34 samples of the normal brain tissues. The analysis of survival curve was performed by Kplan-Meier method. **Results** The methylation rate of SOX7 (71.8%, 94/131) was significantly higher in the glioma tissues than that 32.4% (11/34) in the normal brain tissues ($P<0.01$). The methylation rate of SOX7 (81.01%, 64/79) was significantly higher in the WHO grade Ⅲ~Ⅳ gliomas tissues than that (57.69%, 30/52) in the WHO grade Ⅰ~Ⅱ gliomas tissues. The expression level of SOX7 mRNA was (0.43 ± 0.15) significantly higher in the normal brain tissues than that (0.34 ± 0.17) in the glioma tissues ($P<0.01$). The level of SOX7 mRNA expression (0.38 ± 0.18) was significantly higher in the WHO grade Ⅰ~Ⅱ gliomas tissues than that (0.31 ± 0.66) in the WHO grade Ⅲ~Ⅳ gliomas tissues ($P<0.01$). The survival time was significantly shorter in the patients with methylation of SOX7 gliomas than that in the patients with non-methylation of SOX7 gliomas ($P<0.05$). **Conclusions** SOX7 is hypermethylated and its expression level was downregulated in human glioma tissues. The methylation status of SOX7 in the gliomas tissues was closely correlated with glioma patient's survival time.

【Key words】 Human glioma; SOX7 gene; Methylation; Survival time

脑胶质瘤是中枢神经系统最常见的恶性肿瘤,恶性度高,即使采用手术联合术后放疗、化疗等综合治疗,预后仍差^[1]。Y 染色体性别决定区相关高迁移率族基因(sex determining region Y-related high-mobility group-box, SOX)7 属于 SOX 基因家族 F 亚组^[2],以转录因子方式参与多种生物学过程,包括血液

生成^[3]、心脏的发生^[4]、血管和肌肉的生成等^[5,6]。近年来,在多种肿瘤中发现 SOX7 基因表达异常,可能作为肿瘤抑制基因参与肿瘤的发生。有报道显示 SOX7 基因在多种肿瘤组织中丧失功能,间接导致肿瘤的发生^[7]。本文通过表观遗传学手段研究 SOX7 基因在胶质瘤中的表达水平及甲基化的状态,为胶质瘤的诊治提供参考。

1 资料与方法

1.1 标本来源 研究对象来自哈尔滨医科大学附属第四医院神经外科 2013 年 6 月至 2015 年 1 月收治的胶质瘤,签署知情同意后采取手术治疗,留取组织标本,并立即液氮冰冻保存。所有病人均为初次诊

doi:10.13798/j.issn.1009-153X.2019.02.009

基金项目:北京市自然科学基金(7174315)

作者单位:157011 黑龙江牡丹江,牡丹江医学院组胚教研室(穆寅东);150006 哈尔滨,哈尔滨医科大学附属第四医院神经外科(赵天书);100038 北京,首都医科大学附属北京世纪坛医院医学检验科/尿液细胞分子诊断北京市重点实验室(谢 清)

通讯作者:谢 清, E-mail: xieqing@bjmu.edu.cn

断、初次手术治疗。病理类型及分级参照 2007 年 WHO 中枢神经系统肿瘤分类制定的病理诊断标准进行分级^[8]。正常脑组织标本取自颅脑损伤内减压术病人,经病理诊断证明为正常脑组织。所有的胶质瘤在手术结束后每 2 个月进行一次随访,直至手术治疗后 30 个月。该研究经哈尔滨医科大学附属第四医院伦理委员会通过。

最终收集到胶质瘤 131 例,其中男性 73 例,年龄 11~76 岁,平均 52.4 岁;女性 58 例,年龄 20~80 岁,平均 50.6 岁。WHO 分级 I 级 24 例,Ⅱ级 28 例,Ⅲ级 43 例,Ⅳ级 36 例。正常脑组织标本 34 例,其中男性 18 例,女性 16 例;平均年龄 47 岁。

1.2 检测方法

1.2.1 SOX7 基因甲基化检测 采用天根动物组织基因组 DNA 提取试剂盒提取组织 DNA。取 2 μg 基因组 DNA,加入蒸馏水至 50 μl,加入 NaOH 至终浓度为 0.2 mol/L,37 ℃放置 10 min。加入 30 μl 10 mmol/L 氢醌和 520 μl 2 mol/L 亚硫酸氢钠,混匀后于 50 ℃孵育 18 h。使 DNA 中未发生甲基化的胞嘧啶脱氨基转变成尿嘧啶,以进行下一步分 PCR 检测。随后用 Promega Wizard DNA Clean-Up 试剂盒纯化处理 DNA。

将处理后的 DNA 用 PCR 进行扩增,PCR 产物用琼脂糖凝胶电泳检测扩增结果,判断 SOX7 基因相应区域的甲基化状态。扩增引物设计如下^[9]:SOX7 甲基化引物:正义链 5'-GTT TTG GAC GTC GAG TTG TC-3',反义链 5'-AAC CCA AAC CAT AAA AAC GTT-3'。SOX7 非甲基化引物:正义链 5'-GGT TTT GGA TGT TGA GTT GTT G-3',反义链 5'-CTT AAC CCA AAC CAT AAA AAC ATT-3'。

1.2.2 SOX7 基因 mRNA 表达水平检测 取约 100 mg 冰冻的组织,在适量液氮的研钵中研磨成粉状后,采用天根动物组织总 RNA 提取试剂盒提取试剂盒,提取组织总 RNA。取 2 μg RNA 用 SuperScript III 反转录试剂盒随机引物合成 cDNA,然后进行荧光定量 PCR 扩增。GAPDH 作为内参,检测 SOX7mRNA 表达水平,引物序列如下:正义链 5'- AGC TGT CGG ATG GAC AAT CG-3',反义链 5'-TCC ACG ACT TTC CCA GCA TC-3'。利用扩增的 Ct 计算 SOX7/GAPDH mRNA 相对表达量。

1.3 统计学分析 使用 SAS 8.1 软件分析;定量数据以 $\bar{x}\pm s$ 表示,采用 *t* 检验;定性数据采用 χ^2 检验;采用 Kplan-Meier 法进行生存曲线分析;*P*<0.05 为差异有统计学意义。

2 结 果

2.1 胶质瘤 SOX7 基因甲基化状态及其与病理分级的关系 131 例胶质瘤中,94 例存在 SOX7 基因甲基化现象。胶质瘤 SOX7 甲基化率(71.8%,94/131)明显高于正常脑组织(32.4,11/34;*P*<0.05)。高级别胶质瘤 SOX7 甲基化率(81.0%,64/79)明显高于低级别胶质瘤(57.7%,30/52;*P*<0.05)。

2.2 胶质瘤 SOX7 基因表达水平以及与其甲基化状态的关系 正常脑组织 SOX7 mRNA 水平(0.43±0.15)显著高于胶质瘤组织(0.34±0.17;*P*<0.05)。甲基化肿瘤组织 SOX7 mRNA 表达水平(0.26±0.10)明显低于非甲基化肿瘤组织(0.54±0.15;*P*<0.05)。

2.3 SOX7 甲基化与病人生存期的关系 根据胶质瘤 SOX7 基因甲基化状态分为甲基化组和非甲基化组,随访两组生存状况,结果显示甲基化组生存期较非甲基化组明显缩短(*P*<0.01,图 1)。

3 讨 论

目前,胶质瘤缺少有效的小分子靶向药物,主要原因是对胶质瘤的发病机制了解仍然不够深入,缺少关键的治疗靶点。SOX 基因是一类含有 HMG 结构域的转录因子家族,SOX7 属于 SOX F 亚家族成员,其可调节多种基因的表达,参与细胞的增殖和转化。SOX7 基因的表达受到多因素的调节,例如 microRNA 的调节^[7]、甲基化调节等。有报道显示 SOX7 基因在胃癌中有甲基化的存在^[9],提示其表达调控可能受甲基化影响。本文结果显示 SOX7 基因在胶质瘤肿瘤组织中确有明显的甲基化现象,且随着胶质瘤组织病理分级的升高,其甲基化比例也越来越高。这提示 SOX7 基因启动子区域甲基化水平

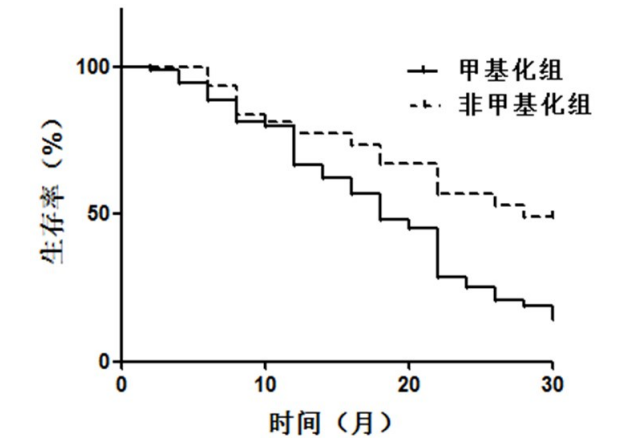


图 1 SOX7 基因甲基化组和非甲基化组病人生存曲线图

随肿瘤的恶性程度呈渐进性趋势。甲基化状态直接影响基因的表达水平,本文结果显示甲基化的胶质瘤组织 SOX7 mRNA 表达明显下调。这与 Zheng 等^[7]研究结果一致。此外,SOX7 基因还被发现存在于肺癌等肿瘤中作为抑癌基因失去表达或低表达^[10]。目前认为 SOX7 基因是肿瘤抑制基因。SOX7 基因至少通过两种机制发挥生物学作用,一是参与调节靶基因的活性,二是通过与 TCF/LEF 活性竞争来调控 Wnt 信号通路^[11,12]。而 Wnt 信号通路的异常往往也与胶质瘤的发生密切相关,这可能是 SOX7 在胶质瘤中的作用机制之一。同时,我们发现 SOX7 基因甲基化病人生存期明显短于非甲基化胶质瘤病人。这提示 SOX7 基因在胶质瘤中甲基化可能意味着预后不良,揭示了 SOX7 对疾病的临床预后有潜在价值。

总之,SOX7 基因在胶质瘤中甲基化程度增高,是导致其低表达的原因之一;SOX7 基因高甲基化状态与胶质瘤病人预后密切相关,可能作为胶质瘤发生过程中的一个有价值的指标,是胶质瘤治疗的潜在靶点。

【参考文献】

[1] Liu H, Chen X, Xue W, *et al.* Recombinant epidermal growth factor-like domain-1 from coagulation factor VII functionalized iron oxide nanoparticles for targeted glioma magnetic resonance imaging [J]. *Int J Nanomed*, 2016, 11: 5099-5108.

[2] Chew LJ, Gallo V. The Yin and Yang of Sox proteins: Activation and repression in development and disease [J]. *J Neurosci Res*, 2009, 87(15): 3277-3287.

[3] Gandillet A, Serrano AG, Pearson S, *et al.* Sox7-sustained expression alters the balance between proliferation and differentiation of hematopoietic progenitors at the onset of

[8] Li BL, Ni J, Huang JX, *et al.* Intranasal demedetomidine for sedation in children undergoing transthoracic echocardiograph study—a prospective observational study [J]. *Paediatr Anaesth*, 2015, 25: 891-896.

[9] Behrle N, Birisci E, Anderson J, *et al.* Intranasal demedetomidine as a sedation for pediatric procedural sedation [J]. *Pediatr Pharmacol Ther*, 2017, 22: 4-8.

[10] Miller JW, Divnovic AA, Hossain MM, *et al.* Dosing and efficacy of intranasal demedetomidine sedation for pediatric

blood specification [J]. *Blood*, 2009, 114(23): 4813-4822.

[4] Nelson TJ, Chiriac A, Faustino RS, *et al.* Lineage specification of Flk-1+ progenitors is associated with divergent Sox7 expression in cardiopoiesis [J]. *Differentiation*, 2009, 77(3): 248-255.

[5] Cermenati S, Moleri S, Cimbri S, *et al.* Sox18 and Sox7 play redundant roles in vascular development [J]. *Blood*, 2008, 111(5): 2657-2666.

[6] Francois M, Koopman P, Beltrame M. SoxF genes: key players in the development of the cardiovascular system [J]. *Int J Biochem Cell Biol*, 2010, 42(3): 445-448.

[7] Zheng Z, Liu J, Yang Z, *et al.* MicroRNA-452 promotes stem-like cells of hepatocellular carcinoma by inhibiting Sox7 involving Wnt/beta-catenin signaling pathway [J]. *Oncotarget*, 2016, 7(19): 28000-28012.

[8] Louis DN, Ohgaki H, Wiestler OD, *et al.* The 2007 WHO classification of tumours of the central nervous system [J]. *Acta Neuropathol*, 2007, 114(2): 97-109.

[9] 郭艳丽, 邓良勇, 郭炜, 等. 转录因子 SOX7 基因在贲门腺癌中的异常表达及其甲基化状态[J]. *中国肿瘤生物治疗杂志*, 2014, (6): 652-657.

[10] Hayano T, Garg M, Yin D, *et al.* SOX7 is down-regulated in lung cancer [J]. *J Exp Clin Cancer Res*, 2013, 32(17): 1-11.

[11] Takash W, Canizares J, Bonneaud N, *et al.* SOX7 transcription factor: sequence, chromosomal localisation, expression, transactivation and interference with Wnt signalling [J]. *Nucleic Acids Res*, 2001, 29(21): 4274-4283.

[12] Liu H, Mastriani E, Yan ZQ, *et al.* SOX7 co-regulates Wnt/beta-catenin signaling with Axin-2: both expressed at low levels in breast cancer [J]. *Sci Rep*, 2016, 6: 1-14.

(2018-05-03 收稿, 2018-11-11 修回)

(上接第 89 页)

transthoracic echocardiography: a retrospective study [J]. *Can J Anaesth*, 2016, 63: 834-41.

[11] 尹加林, 张 勇, 陈利海, 等. 右美托咪定经鼻腔给药对妇科全麻围拔管期应激反应的影响[J]. *临床麻醉学*, 2017, 33(12): 1163-1166.

[12] 林宏凯, 黄锡强, 吴立新, 等. 右美托咪定经鼻喷雾在老年开腹手术患者麻醉中的应用效果观察[J]. *中国医药科学*, 2014, (8): 87-89, 99.

(2018-10-29 收稿, 2018-12-06 修回)